

اثر تنش‌های خشکی و شوری بر تولید هورمون IAA در باکتری‌های جداسازی شده از خاک‌های شور و شور-سدیمی

* رضا سلیمانی، حسن توفیقی و حسینعلی علیخانی*

دریافت: ۱۳۹۴/۴/۲۲ / پذیرش: ۱۳۹۴/۸/۲۳

گروه مهندسی علوم خاک، پردیس کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه تهران، کرج

*مسئول مکاتبات: halikhani@ut.ac.ir

چکیده. این تحقیق به منظور ارزیابی توانایی تولید هورمون Indole acetic acid (IAA) به وسیله باکتری‌های جداسازی شده از خاک‌های متأثر از خشکی و شوری اجرا شد. به همین منظور ضمن جداسازی ۴۰۰ باکتری از خاک‌های با درجات مختلف قابلیت هدایت الکتریکی و نسبت سدیم تبادلی، تغییرات تولید IAA، اثر مقادیر مختلف تryptophan و تنش‌های خشکی و شوری بر تولید این هورمون تحت بررسی قرار گرفت. نتایج نشان داد که اثر تنش‌های خشکی و شوری بر تغییرات تولید مختلف تryptophan و تنش‌های خشکی و شوری بر تولید این هورمون تحت بررسی قرار گرفت. نتایج نشان داد که اثر تنش‌های خشکی و شوری بر تغییرات تولید IAA از نظر آماری معنی دار بود. گونه باکتری Arthrobacter siccitololerans جداسازی شده از خاک‌های شور-سدیمی، مولد هورمون IAA است و مقایسه میانگین داده‌ها نشان داد که این باکتری در وضعیت تنش خشکی به میزان ۸۴/۳ درصد نسبت به جدایه RS11، هورمون بیشتری تولید کرد. در حالی که جدایه RS11 در شرایط بدون تنش خشکی در مرحله اول غربالگری، بیشترین مقدار IAA ($10.42 \mu\text{g.ml}^{-1}$) را نسبت به سایر باکتری‌ها تولید کرد. همچنین تا قابلیت الکتریکی برابر با ۴۰ دسی‌زیمنس بر متر و پتانسیل اسمزی -۲۵ - بار همچنان به تولید IAA ادامه داد. مقدار تولید هورمون به ازای مصرف هر واحد تryptophan، در این باکتری برابر با ۰.۱ و در باکتری‌های دیگر، کمتر از ۰.۱ بود. با توجه به آزمون‌های انجام شده، برتری نسبی باکتری یادشده محرز شد و برای انجام آزمون‌های مزرعه‌ای در تنش‌های موجود در خاک‌های متأثر از خشکی، شوری و شور-سدیمی پیشنهاد شد.

واژه‌های کلیدی. خشکی، نسبت جذب سطحی سدیم، هدایت الکتریکی، هورمون IAA

The effect of drought and salinity tensions on IAA production in isolated bacteria from saline and saline-sodic soils

Reza Soleimani, Hasan Tofighi and Hosseinali Alikhani*

Received 09.12.2013 / Accepted 13.07.2015

Department of Soil Sciences, College of Agriculture and Natural Resources, Tehran University, Karaj, Iran

*Correspondent author: halikhani@ut.ac.ir

Abstract. This investigation was carried out to evaluate Indole acetic acid (IAA) production by isolated bacteria from drought and salinity affected soils. Four hundred bacteria were isolated from soils with different levels of electrical conductivity (EC) and sodium adsorption ratio (SAR). Then the ability of these bacteria to produce IAA and the effects of different amounts of tryptophan and drought-salinity tensions on IAA production were analyzed. Results indicated that the effects of drought and salinity tensions on variability of IAA production were statistically significant. One of the bacterial species isolated from saline-sodic soils, *Arthrobacter siccitololerans*, was IAA producer and data comparison indicated that under drought stress conditions it produced IAA 84.3% higher than isolate RS11. While isolated RS11 produced highest rate of IAA ($10.42 \mu\text{g.ml}^{-1}$) under normal conditions. Also, *A.siccitololerans* continued to produce IAA until the EC was 40 dS.m^{-1} and OP (Osmosis pressure) was -20 bar. The amount of IAA production per unit of applied tryptophan in this bacterium was 0.1 and in others it was lesser. According to experiments, the relative preference of this bacterium was verified and proposed for field experiments in drought, salinity and salinity-sodicity affected soils.

Keywords. drought, electrical conductivity, IAA, sodium adsorption ratio

مقدمه

مونو-اکسیژنаз (Tryptophan-2-monooxygenase) را کد می‌کند. این آنزیم تریپتوфан را به IAM تبدیل می‌کند. در مرحله دوم مسیر، ژن *iaaH*، آنزیم ایندولاستامیدهیدرولاز (IAM-hydrolase) را کد می‌کند و آنزیم ایندولاستامیدهیدرولاز، Matsukawa *et al.*, 2007 IAM را به IAA و آمونیوم تبدیل می‌کند (). همچنین تولید هورمون IAA به شدت به وضعیت محیطی موجود در آشیان اکولوژیکی باکتری‌ها، از جمله فاکتورهای لازم برای فعالیت‌های میکروبی شامل اسیدهای آلی، L-Tryptophane قندها و دیگر متابولیت‌های گیاهی مثل (Patten & (پیش‌ماده تولید اکسین) وابسته است. در تحقیقاتی مشخص شد که توان تولید اکسین توسط *Pseudomonas putida* با افزودن تریپتوfan به محیط کشت باکتری، افزایش یافت (Glick, 2002) به طوری که در غلظت‌های ۵۰، ۱۰۰، ۲۰۰ و ۵۰۰ میکروگرم در میلی‌لیتر تریپتوfan، به ترتیب ۱۴/۵، ۲۲/۵ و ۲۶/۲ و ۳۲/۷ میکروگرم در میلی‌لیتر IAA تولید شد. در تحقیقات دیگر نیز مشخص شده‌است که مصرف تریپتوfan، توانایی تولید هورمون IAA را به وسیله باکتری سودوموناس افزایش داد به طوری که Bent و همکاران گزارش کردند که در غلظت‌های ۰/۱، ۰/۲۵ و ۰/۲۰۰ میکروگرم در میلی‌لیتر تریپتوfan، به ترتیب ۷/۱، ۱۲ و ۹۶ میکروگرم در میلی‌لیتر IAA تولید شد (Bent *et al.*, 2001). درین گونه‌های مختلف باکتری نیز تفاوت‌های زیادی در مقدار تولید هورمون IAA گزارش شده است به طوری که *Rhizobium* و *Ensifer meliloti* به ترتیب ۲۰ و ۲ میکروگرم در میلی‌لیتر *leguminosarum* IAA تولید کردند (Dilfuza, 2011).

تاکنون مطالعه‌ای در باب توان تولید هورمون IAA در باکتری‌های بومی در خاک‌های مناطق جنوب‌غربی کشور که تحت تنش با درجات مختلف خشکی، شوری و شور-سدیمی قرار دارند و همچنین پاسخ‌های باکتری‌های مولد، به تنش‌های شوری و خشکی انجام نشده‌است. بنابراین تحقیق حاضر به منظور تعیین مناسب‌ترین جدایه باکتری مولد هورمون IAA از نظر توانایی تحمل خشکی و شوری و کاراترین آن از نظر مصرف تریپتوfan انجام شد.

یکی از مهم‌ترین آثار مستقیم باکتری‌های محرك رشد گیاه، تولید هورمون (Indole Acetic Acid) بهمنزله متابولیت ثانویه می‌باشد. این هورمون جزء اکسین‌های فعال فیزیولوژیکی است. نقش اساسی اکسین، در القاء ریشه‌زایی و تشکیل آغازنده ریشه اثبات شده است (Mangang *et al.*, 2015). به طوری که در غلظت‌های کمتر از 10^{-8} مولار، نقش‌های فیزیولوژیکی دیگری نیز در گیاه ایفا می‌کند که از آن جمله می‌توان به تغییر در عماری ریشه (Root Architecture) و الگودهی اندام‌ها (Woodward *et al.*, 2005; Lamine *et al.*, 2008) اشاره کرد. در وضعیت تنش‌های خشکی و شوری، کاهش جوانه‌زنی بذر و رشد گیاه را به اختلال در تولید هورمون IAA در گیاه نسبت می‌دهند (Dilfuza, 2011). به طوری که مصرف IAA در غلظت‌های کم و به طور پیوسته پیشنهاد شده است (Fernandez-Falcon *et al.*, 2005). تولید IAA به وسیله ریز موجودات خاک از جمله باکتری‌ها به طور پیوسته انجام می‌گردد (Mandal *et al.*, 2007). باکتری‌ها، این هورمون را به منظور بهبود فرایندهای فیزیولوژیکی گیاه و ایجاد شرایط مناسب در سیکل تشدیدی رشد خود تولید می‌کنند (Mohite, 2013). هورمون IAA تولید شده در این باکتری‌ها، با متعادل کردن توزیع اکسین در گیاه، فرایندهای رشد و نمو گیاه از جمله توسعه ریشه را تنظیم می‌کند (Spaepen, *et al.*, 2007). مقدار IAA تولید شده بستگی به عوامل ژنتیکی و محیطی دارد. با توجه به محدودبودن مسیر تولید IAA در هر گیاه، باکتری‌ها، با ایجاد تنوع در مسیرهای تولید IAA، به تولید پایدار آن در جهت رشد گیاه کمک می‌کنند & Spaepen, 2012). مسیرهای اصلی بیوسترن IAA شامل مسیر Indole-3-Acetamide (IAM)، مسیر-3-Pyruvate (IPA) و مسیر تریپتامین (Tra) است و بیوسترن‌هورمون IAA در باکتری‌ها، بیشتر از مسیر IAM و گاهی از مسیر IPA انجام می‌شود (Mohite, 2013). با توجه به وابسته‌بودن مسیر تولید IAA، به تریپتوfan Trp-dependent pathway)، در مرحله اول، ژن *iaaM*، آنزیم تریپتوfan

اسپکتروفوتومتر سنجش شد؛ به نحوی که ابتدا باکتری‌ها به مدت ۴۸ ساعت در محیط کشت TSB کشت داده شد. در مرحله غربالگری اولیه، ۵۰ میکرولیتر از سوسپانسیون باکتری در مرحله غربالگری اولیه به ۲۵ میلی لیتر محیط کشت دارای ۲۰۰ میکروگرم در میلی لیتر تریپتوфан و در مرحله بعد به منظور مقایسه کارایی مصرف تریپتوfan همین مراحل با استفاده از محیط کشت حاوی مقادیر صفر، ۵۰، ۱۰۰، ۱۵۰ و ۲۵۰ میکروگرم در میلی لیتر تریپتوfan انجام شد. بعد از ۲۴ ساعت، سوسپانسیون خالص باکتری به مدت ۱۰ دقیقه سانتریفیوژ (۱۰۰۰۰ g) شد و سلول‌های باکتری از محیط کشت و مواد مترشحه جدا شدند. محلول رویی به نسبت ۱ به ۲ با معرف سالکوفسکی (۱۵۰ میلی لیتر اسید سولفوریک غلیظ، ۲۵۰ میلی لیتر آب مقطر و ۷/۵ میلی لیتر $\text{FeCl}_3 \cdot 6\text{H}_2\text{O}$ ، ۰/۵ مولار) مخلوط گردید. سپس به مدت ۲۰ دقیقه در دمای اتاق نگهداری و آن‌گاه با استفاده از اسپکتروفوتومتر، مقادار جذب نور در طول موج ۵۳۵ نانومتر اندازه گیری شد (Patten & Glick, 2002). مقادار تولید هورمون IAA با مقایسه جذب آن با جذب در نمودار استاندارد تهیه شده از ایندول‌استیک اسید محاسبه شد.

آزمون میزان تحمل به تنش کم‌آبی باکتری‌ها با استفاده از PEG-6000

به منظور ارزیابی میزان تحمل جدایه در برابر سطوح مختلف تنش کم‌آبی، از توان رشد آنها در محیط کشت TSB حاوی غلاظت‌های مختلف پلی‌اتیلن گلیکول ۶۰۰۰ استفاده شد. براساس معادله (Michel & Kaufmann, 1973) غلاظت‌های صفر، ۴۸۱/۹ و ۴۲۸/۴ نانومتر، توسط دستگاه ۶۰۰۰ به ازای هر کیلوگرم محیط کشت TSB معادل پتانسیل های آبی صفر، -۵، -۱۰، -۱۵، -۲۰ و -۲۵ بار است. میزان رشد جدایه‌ها با اندازه گیری OD (Optical density) محیط رشد آنها در طول موج ۶۰۰ نانومتر، توسط دستگاه اسپکتروفوتومتر تعیین و درصد کاهش رشد هر جدایه در سطوح مختلف پلی‌اتیلن گلیکول در مقایسه با میزان رشد همان جدایه در محیط TSB محاسبه شد. سه تکرار از محیط TSB تلقیح نشده حاوی مقادیر مختلف پلی‌اتیلن گلیکول نیز به عنوان شاهد جهت

مواد و روش‌ها

برای تهیه نمونه‌های خاک و جداسازی باکتری‌ها از خاک با استفاده از دستگاه موقعیت یاب جهانی (GPS) و دستگاه EC سنج پرتابل، اقدام به مکان‌یابی و نمونه‌برداری از توده خاک‌های شور، شور-سدیمی و معمولی و خاک ریزوسفری گیاه گندم در استان خوزستان و جنوب استان ایلام شد. نمونه‌های مرکب خاک به مقدار دو کیلوگرم از این خاک‌ها از عمق صفر تا ۳۰ سانتی‌متری تهیه شد و نمونه‌ها پس از هوا خشک کردن به منظور تجزیه‌های شیمیایی به آزمایشگاه منتقل شدند. سپس از خاک‌ها، گل اشباع تهیه شده و pH و EC عصارة اشباع، غلاظت کلسیم، غلاظت سدیم و پتاسیم به روش فلیم فتوتمتری اندازه گیری شدند (Sodium Adsorption Ratio (Page et al., 1982). با توجه به این نتایج تجزیه شیمیایی خاک‌ها، از خاک‌های شور، شور-سدیمی و معمولی نمونه خاک برای جداسازی باکتری‌ها انتخاب شد. بداین-منظور، ابتدا سوسپانسیون همگن از هر نمونه، با انتقال ۱۰ گرم خاک به اrlen مایر ۲۵۰ میلی لیتری حاوی ۹۰ میلی لیتر آب مقطر استریل تهیه شد. سوسپانسیون تهیه شده، در شیکر با ۱۲۰ دور در دقیقه و دمای ۲۵ درجه سانتی گراد به مدت ۳۰ دقیقه قرار گرفت و پس از آن، سری‌های رقت (از 10^{-1} تا 10^{-9}) تهیه گردید. در نهایت، ۰/۱ میلی لیتر از هر رقت، بر روی پلیت حاوی محیط کشت Nutrient Agar با روش کشت چمنی پخش شد (Wang et al., 2007) سانتی گراد به مدت ۵ روز گرم‌گذاری شدند. به منظور خالص-سازی جدایه‌ها، کلنجی‌های تشکیل شده از بالاترین رقت‌های هر نمونه کشت شده انتخاب و دوباره بر روی محیط کشت NA رشد داده شدند. کلونی‌هایی که پس از کشت‌های متوالی مشابه داشتند انتخاب شده و برای استفاده بعدی روی محیط کشت شب‌دار در یخچال نگهداری شدند.

ارزیابی جدایه‌های باکتری از نظر توان تولید هورمون IAA

توانایی تولید هورمون IAA با روش پیشنهادی Bric انجام شد. برای اندازه گیری کمی تولید IAA در محیط کشت مایع، شدت رنگ ایجاد شده در اثر استفاده از محلول سالکوفسکی با دستگاه

در میلی لیتر، تنش خشکی در شش سطح شامل صفر، ۵، ۱۰، ۱۵، ۲۰ و ۲۵ بار و تنش خشکی در ۶ سطح شامل صفر، ۵، ۱۰، ۲۰، ۳۰ و ۴۰ دسی زیمنس بر متر با چهار تکرار انجام شد. تجزیه و تحلیل داده ها با استفاده از نرم افزار SAS انجام شد و نتایج تجزیه واریانس به دست آمد. سپس با استفاده از آزمون چندداهنده ای دانکن (DMRT)، میانگین داده ها در سطح ۵٪ با یکدیگر مقایسه شدند.

نتایج و بحث

نتایج تجزیه شیمیایی خاک های نمونه برداری شده نشان داد که محدوده شوری خاک ها بین ۰/۱ تا ۲۶/۳ دسی زیمنس بر متر و SAR بین ۰/۱ تا ۳۰/۱۲ (میلی اکی والان بر لیتر) قرار داشت. همچنین سدیم، کلسیم و منیزیم محلول خاک به طور میانگین به ترتیب ۵۶، ۲۲ و ۱۷ میلی اکی والان بر لیتر و میانگین pH خاک ها ۷/۶۱ بود. در مجموع تعداد ۴۰۰ جدایه باکتری از خاک ریزوسفری و غیر ریزوسفری جداسازی گردید.

فراوانی مقادیر تولید هورمون IAA توسط جدایه های باکتری

فراوانی مقادیر تولید هورمون IAA در محدوده های با فاصله های ۱/۵ میکرو گرم در میلی لیتری در شکل ۱ نشان داده شده است. همان طور که مشاهده می شود، مقادیر بالای تولید هورمون IAA، فراوانی های کمی داشت؛ به طوری که تنها در ۳ درصد از باکتری ها، مقدار تولید هورمون IAA، بیشتر از ۹ میکرو گرم در میلی لیتر بوده و از طرفی، مقدار تولید IAA در ۳۴ درصد از باکتری ها، کمتر از ۱/۵ میکرو گرم در میلی لیتر بود. تولید هورمون IAA در محدوده میانه جمعیت (۴/۵-۶ میکرو گرم در میلی لیتر)، دارای فراوانی برابر با ۱۹ درصد بود (شکل ۱الف). همچنین مشخص شد که ۷۸ درصد از باکتری های جداسازی شده از ناحیه ریزوسفری و ۵۴ درصد از باکتری های جداسازی شده از ناحیه غیر ریزوسفری (توده خاک)، مولد هورمون IAA بودند (شکل ۱ب). در این تحقیق، تفاوت های دیگری نیز در کمیت تولید IAA در شرایط ریزوسفری و غیر ریزوسفر مشاهده شد (شکل ۱ج). به طوری که بیشترین فراوانی تولید هورمون

تعیین میزان OD این محیط در وضعیت فوق تهیه شد (Sandhya et al., 2009)

آزمون میزان تحمل در برابر تنش شوری

به این منظور، توان رشد جدایه های مختلف باکتری در محیط کشت TSB حاوی مقادیر مختلف نمک های کلرید سدیم، کلرید کلسیم و کلرید منیزیم تحت ارزیابی قرار گرفت. مقادیر نمک اضافه شده به نحوی تنظیم شد که نتیجه آن، ایجاد شوری های صفر، ۵، ۱۰، ۲۰، ۳۰ و ۴۰ دسی زیمنس بر متر بود. سپس تغییرات رشد جدایه ها با اندازه گیری OD محیط رشد آنها در طول موج ۶۰۰ نانومتر، توسط دستگاه اسپکترو فتو متر تعیین و در بین جدایه ها با هم مقایسه شد.

شناسایی جدایه برتر

برای شناسایی باکتری های برتر به روش ژنتیکی (16S rRNA)، استخراج DNA با روش استاندارد انجام شد (Dauphin et al., 2009). ابتدا لیز سلول و تغییر ماهیت دادن پروتئین با به کار گیری بافر لیز کننده (لیزو زیم، EDTA، SDS، پروتیناز K)، صورت گرفت و سپس با استفاده از فل و کلروفرم تمام Maciel et al., 2009) اجزای غیر از اسیدهای نوکلئیک رسوب داده شد (در پایان، با استفاده از استات سدیم و اتانول مطلق PCR با موجود در محلول رسوب کرد. واکنش PCR با استفاده از دستگاه ترموسایکلر (PCR) با شرایط تکثیر استاندارد انجام شد. در این تحقیق، برای تکثیر ژن 16S rDNA جدایه منتخب از پرایمرهای FP (A19-F2) و RP(A1R1)(5'AGAGTTGATCCTGGCTCAG3') (3 استفاده شد (Lorraine, et al., 2000). محصول به دست آمده از PCR در ژل آگارز ۱ درصد، بار گذاری و بعد از مشاهده باند مشخص تهتنظر با توجه به راهنمای برای تعیین توالی به شرکت ماکروژن کره جنوبی ارسال شد.

تجزیه های آماری

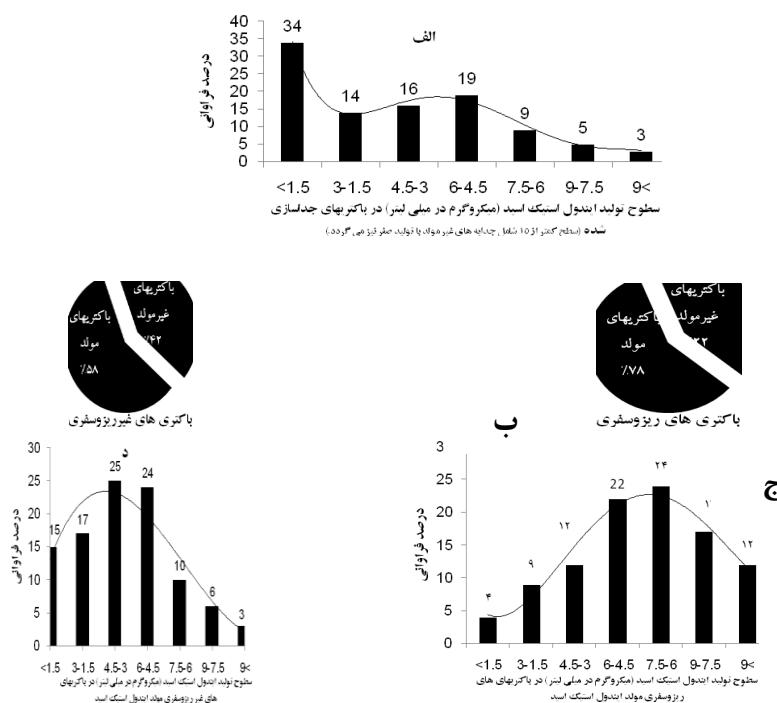
آزمایشات در قالب طرح کاملاً تصادفی، تیمار تریپتو فان در شش سطح شامل صفر، ۵۰، ۱۰۰، ۱۵۰، ۲۰۰ و ۲۵۰ میکرو گرم

ریزوسفری در سطح یک درصد معنی‌دار بود (جدول ۱). همچنین مقایسه میانگین تولید هورمون IAA با آزمون چند-دامنه‌ای دانکن در سطح ۵ درصد نشان داد که در بین باکتری‌های ریزوسفری، جدایه‌های RS11، RN74، RSS57 و RS2 به ترتیب با تولید $10/41$, $10/37$, $10/03$ و $10/01$ میکروگرم در میلی لیتر بیشترین مقدار تولید هورمون IAA را داشته و در بالاترین گروه آماری قرار گرفتند. همچنین در بین باکتری‌های غیر ریزوسفری، جدایه‌های RSS15 و BSS207 به ترتیب با تولید $9/42$ و $9/31$ میکروگرم در میلی لیتر بیشترین مقدار تولید هورمون IAA را داشتند و در بالاترین گروه آماری قرار گرفتند (جدول ۲). Kavamura و همکاران (2013) نشان دادند که $\%30$ از باکتری‌ها بیشتر از ۱ میکروگرم در میلی لیتر و تمام باکتری‌های جنس *Bacillus* کمتر از ۵۰ میکروگرم در میلی لیتر هورمون IAA تولید کردند.

IAA در باکتری‌های ریزوسفری، مربوط به محدوده ۶-۷/۵ میکروگرم در میلی لیتر و در تحت باکتری‌های غیرریزوسفری، مربوط به محدوده ۴/۵-۳ میکروگرم در میلی لیتر بود. به عبارت دیگر، اوج نمودار در تحت باکتری‌های جداسازی شده از خاک ریزوسفری به سمت مقادیر بیشینه و در تحت باکتری‌های جداسازی شده از خاک غیرریزوسفری به سمت مقادیر کمینه Mohote تولید هورمون IAA کشیده شده است. در همین زمینه (2013) ۱۰ جدایه از ریزوسفر گندم و ذرت با توانایی تولید *Bacillus* IAA گزارش کرد که ۵ باکتری شامل *B. Lactobacillus acidophilus megaterium* و *L. acidophilus* و *B. cereus subtilis* کارایی بیشتری داشتند و بین $5/14$ تا $16/22$ میکروگرم در میلی لیتر IAA تولید کردند.

تفیرات تولید هورمون IAA

نتایج تعزیه واریانس داده‌ها نشان داد که تفاوت‌های بین تولید هورمون IAA در جدایه‌های باکتری ریزوسفری و غیر-



شکل ۱- مقایسه فراوانی تولید هورمون IAA در جدایه‌های ریزوسفری تحت مطالعه. الف- فراوانی تولید در جدایه‌های باکتری؛ ب- نسبت باکتری‌های مولد و غیر مولد؛ ج- مقایسه فراوانی در باکتری‌های ریزوسفری مولد؛ د- مقایسه فراوانی در باکتری‌های غیرریزوسفری مولد.

Fig. 1. Comparison of IAA production frequency in isolated bacteria.

جدول ۱- خلاصه نتایج تجزیه واریانس (میانگین مربعات) تولید هورمون IAA توسط جدایه‌های ریزوسferی و غیرریزوسferی.

Table 1. Results of variance analysis (mean squares) of IAA production by rhizospheric and non-rhizospheric bacteria.

ردیف	جهایه‌های ریزوسferی	جهایه‌های غیرریزوسferی	میانگین تولید IAA (µg.ml⁻¹)	میانگین مربعات درجه آزادی	احتمال	متغیر
تجزیه	تجزیه	تجزیه	تجزیه	تجزیه	تجزیه	تجزیه
	تجزیه	تجزیه	تجزیه	تجزیه	تجزیه	تجزیه
	تجزیه	تجزیه	تجزیه	تجزیه	تجزیه	تجزیه
CV%	CV%	CV%	CV%	CV%	CV%	CV%
	CV%	CV%	CV%	CV%	CV%	CV%
	CV%	CV%	CV%	CV%	CV%	CV%

* نشان‌دهنده معنی دار بودن در سطح ۵ درصد می‌باشد

جدول ۲- مقادیر هورمون IAA تولید شده توسط جدایه‌های باکتری برتر ریزوسferی و غیرریزوسferی.

Table 2. Amounts of IAA produced by upper rhizospheric and non-rhizospheric isolated bacteria

ردیف	جهایه‌های ریزوسferی	جهایه‌های غیرریزوسferی	میانگین تولید IAA (µg.ml⁻¹)	شیب منحنی تحمل به تنش شوری خشکی	ردیف	جهایه‌های ریزوسferی	جهایه‌های غیرریزوسferی	میانگین تولید IAA (µg.ml⁻¹)	شیب منحنی تحمل به تنش شوری خشکی	ردیف
۱	RS11	RS153	۹/۴۲۳	-۰/۱۷۹۰	۱	RS11	RS153	۱۰/۴۱۳	-۰/۱۷۰۰	۱
۲	RN74	BSS207	۹/۳۱۰	-۰/۱۹۱۰	۲	RN74	BSS207	۱۰/۳۷۸	-۰/۱۹۳۰	۲
۳	RSS57	BS80	۹/۲۷۰	-۰/۱۷۸۰	۳	RSS57	BS80	۱۰/۰۳۸	-۰/۰۶۳۰	۳
۴	RSS32	BSS174	۹/۱۷۰	-۰/۱۶۶۰	۴	RSS32	BSS174	۱۰/۰۱۳	-۰/۰۱۶۰	۴
۵	RS2	BN276	۹/۰۲۰	-۰/۱۷۱۰	۵	RS2	BN276	۱۰/۰۰۸	-۰/۰۱۵۸	۵
۶	RN76	BSS179	۸/۲۸۰	-۰/۱۶۶۰	۶	RN76	BSS179	۹/۷۹۰	-۰/۰۱۹۹	۶
۷	RN83	BSS172	۸/۱۳۰	-۰/۱۵۷۰	۷	RN83	BSS172	۹/۷۵۰	-۰/۰۱۹۴	۷
۸	RN80	BSS234	۸/۰۱۰	-۰/۱۸۸۰	۸	RN80	BSS234	۹/۳۳۰	-۰/۰۱۸۰	۸
۹	RN65	BS96	۷/۵۴۰	-۰/۱۶۳۰	۹	RN65	BS96	۸/۷۷۰	-۰/۰۰۹۱	۹
۱۰	RS10	BSS192	۶/۷۳۰	-۰/۱۳۹۰	۱۰	RS10	BSS192	۸/۷۱۰	-۰/۰۱۰۸	۱۰

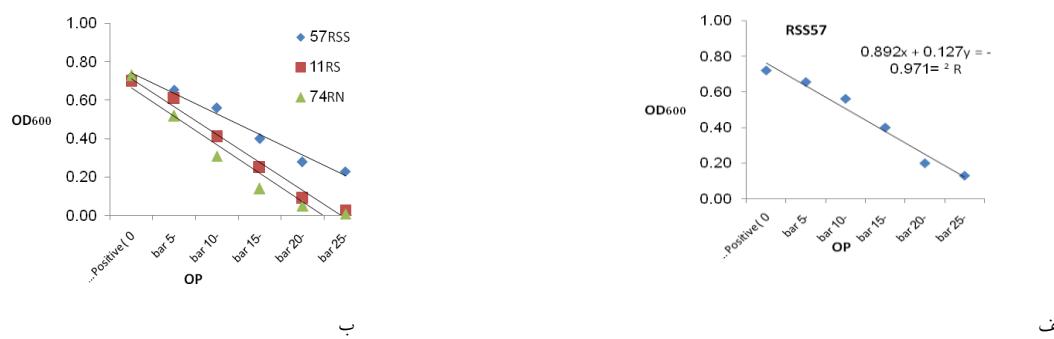
میانگین هایی که با حرف یا حروف مشترک مشخص شده اند براساس آزمون دانکن در سطح پنج درصد اختلاف معنی داری با هم ندارند.

R=Rhizosphere, B=Bulck, S=Saline, SS=Saline-sodic, N=Non-saline soils

باکتری به تنش ایجاد شده است. به طوری که شیب کاهشی کمتر (شیب ملایم‌تر)، نشان دهنده تحمل نسبی بیشتر است که در برآرۀ جدایه RSS57 این شیب برابر با -۰/۱۲۸ بود (شکل ۲). وضعیت کاهشی چگالی نوری و مقایسه سه جدایه برتر مولد هورمون IAA در شکل ۲ نشان داده شده است. همان‌طور که در جدول ۲ نشان داده شده است، جدایه RSS57 نسبت به جدایه‌های دیگر دارای تنش تحمل به خشکی بیشتری بود و پس از آن، جدایه‌های RS10 و BSS192 با شیب‌های ۰/۱۳۷ و -۰/۱۳۹ در رتبه‌های بعدی قرار گرفتند.

مقایسه توان تحمل تنش به خشکی و شوری

در باب سنجش تنش خشکی، با حل کردن مقادیر مختلف ماده PEG 6000 در محیط کشت باکتری، قابلیت استفاده مولکول‌های آب کاهش‌یافته و پتانسیل‌های اسمزی متفاوتی ایجاد شد. همان‌طور که در شکل ۲ در باب جدایه RSS57 مشاهده می‌گردد، با افزایش غلظت PEG 6000 در محیط کشت، چگالی نوری (OD₆₀₀) به عنوان معیاری از رشد باکتری روند کاهشی نشان داد. شیب منحنی حاصل، نشان دهنده شدت پاسخ جدایه



شکل ۲- (الف) اثر تنش خشکی بر روند رشد جدایه RSS57 و (ب) مقایسه سه جدایه برتولت مولد هورمون IAA.

Fig. 2. The impact of drought tension on A) growth trend of RSS57 isolate and B) comparison of three high IAA producers. OP= Osmosis potential.

اثر مصرف تریپتوфан در سطوح مختلف تنش خشکی بر تولید هورمون IAA

نتایج تجزیه واریانس نشان داد که تأثیر غلظت‌های مختلف تریپتوfan، تنش خشکی و برهکش آنها بر مقدار تولید هورمون IAA به ترتیب در سطح یک و پنج درصد معنی‌دار بود (جدول ۳). همچنین، مقایسه میانگین داده‌ها نشان داد که مصرف IAA تریپتوfan در تحت جدایه RSS57 باعث تولید هورمون IAA بیشتری نسبت به سایر جدایه‌ها شد. این جدایه، در غلظت ۵۰ میکروگرم در میلی‌لیتر تریپتوfan، مقدار ۴/۲۲ میکروگرم در میلی‌لیتر هورمون IAA تولید کرد که نسبت به تولید هورمون IAA در جدایه RS11 (با تولید ۲/۲۹ میکروگرم در میلی‌لیتر، در ۸۴/۳ درصد افزایش نشان داد. در حالی که جدایه RS11 وضعیت بدون تنش خشکی در مرحله اول غربال‌گری، بیشترین مقدار IAA را تولید کرد (جدول ۲).

جدول ۳- خلاصه نتایج تجزیه واریانس (میانگین مربعات) تغییرات تولید هورمون IAA متأثر از مصرف تریپتوfan و سطوح تنش خشکی. ** و * به ترتیب نشان‌دهنده معنی‌دار بودن در سطوح ۱ و ۵ درصد می‌باشد.

Table 3. Results of variance analysis (mean square) of IAA production variation as affected by tryptophan application and drought tension levels.

احتمال	میانگین مربعات	درجه آزادی	منبع تغییر
۰/۴۸۲	۱۴/۳۲ ^{ns}	۲	نکار
۰/۰۰۲	۴۷۶/۳**	۹	جدایه باکتری
۰/۰۱۳	۱۶۲/۷*	۵	صرف تریپتوfan
۰/۰۱۱	۲۷۴/۰*	۵	تش خشکی
۰/۰۳۴	۸۷۶/۲*	۴۵	جدایه*تریپتوfan
۰/۰۲۶	۶۳۴/۱*	۴۵	جدایه*تش خشکی
۰/۰۱۷	۴۲۹/۸*	۲۵	تریپتوfan*تش خشکی
۰/۰۴۱	۹۸۳/۷*	۲۲۵	جدایه*تریپتوfan*تش خشکی
	۲۴/۲	۱۰۵	خطا

همچنین، ارزیابی توان تحمل شوری جدایه‌ها با استفاده از محلول‌های نمکی (ترکیبی از کلریدهای سدیم، کلسیم و منیزیم) نشان داد که در این شرایط نیز، با افزایش EC، چگالی نوری (OD₆₀₀) به متزله معیاری از رشد باکتری تغییر یافت. در این حالت نیز، روند کلی شبی منحنی حاصل، شدت پاسخ جدایه‌های باکتری را به تنش شوری نشان داد؛ به طوری که شبی کاهشی کمتر، نشان‌دهنده تحمل نسبی بیشتر است. همان‌طور که در جدول ۲ مشاهده می‌شود جدایه RSS57 با شبی RSS57 در تتحمل ترین جدایه و پس از آن جدایه‌های RN65 و BSS192 به ترتیب با شبی‌های ۰/۰۹۱ و ۰/۰۹۸ در رتبه‌های بعدی قرار داشتند.

تریپتوфан (یک میکروگرم در لیتر) تولید کردند که بیان‌گر ۱۰ برابر بودن کارایی مصرف تریپتوfan و تولید هورمون IAA در جدایه RSS57 نسبت به جدایه RSS192 بود. درباب دیگر جدایه‌ها نیز کارایی کمتر از ۱/۰ بود. کارایی مصرف تریپتوfan از فرمول زیر محاسبه شد:

$$E_t = \frac{(P_t - P_c)}{Trp_{app}}$$

تولید هورمون در تیمار با P_t , کارایی مصرف تریپتوfan = مصرف تریپتوfan

تولید هورمون در تیمار بدون مصرف تریپتوfan = P_c

مقدار تریپتوfan مصرف شده = Trp_{app}

در دیگر تیمارهای مصرف تریپتوfan نیز این روند ملاحظه شد؛ به طوری که در غلظت ۲۰۰ میکروگرم در میلی لیتر تریپتوfan نیز، ۲۸/۳ درصد افزایش تولید هورمون IAA حاصل شد (جدول ۴). در جدایه‌های دیگر نیز همین روند وجود داشت و جدایه‌های با توان تحمل خشکی و شوری بالاتر (جدایه‌های RS10 و RS192) هم نتوانستند مقادیر درخور ملاحظه‌ای هورمون IAA با مصرف تریپتوfan تولید کنند و پایداری تولید مناسبی نسبت به جدایه RSS57 نداشتند. به عبارت دیگر افزایش تولید IAA با توجه به روند افزایشی غلظت تریپتوfan ناچیز بود و در تیمار ۲۵۰ میکروگرم در میلی لیتر تریپتوfan، مقدار تولید IAA از ۲/۱۶ میکروگرم در میلی لیتر تجاوز نکرد. محاسبه کارایی مصرف تریپتوfan نیز نشان داد که در تیمار ۲۵۰ میکروگرم در میلی لیتر، جدایه‌های RSS57 و RSS192 به ترتیب ۰/۰۱ و ۰/۰۱ میکروگرم در لیتر هورمون IAA به ازاء مصرف هر واحد

جدول ۴- تغییرات تولید هورمون IAA جدایه‌های برتر در اثر مصرف مقادیر مختلف تریپتوfan (با اعمال تنش‌های خشکی).

Table 4. IAA production variability of bacteria as affected by tryptophan treatments.

ردیف	جدایه‌های باکتری	غلظت تریپتوfan (میکروگرم در میلی لیتر)						
		۲۵۰	۲۰۰	۱۵۰	۱۰۰	۵۰	صفرا	میانگین
۱	RS11	۵/۷۷a	۵/۰۶b	۴/۴۳b	۲/۳۵c	۲/۲۹d	۱/۱۳d	۲/۵۹B
۲	RN74	۳/۲۲b	۳/۱۸b	۳/۱۲b	۲/۴۲c	۱/۱۷d	۱/۱۲d	۲/۲۷C
۳	RSS57	۶/۸۵a	۶/۴۹a	۶/۱۸a	۵/۶۱a	۴/۲۲b	۱/۵d	۵/۱۴A
۴	RSS32	۵/۰۲b	۴/۹۴b	۴/۶۴b	۳/۶۱c	۲/۰۴d	۱/۶۱d	۳/۶۴B
۵	RS2	۳/۱۵b	۲/۹۶c	۲/۵۷c	۲/۲۹c	۱/۲۴d	۱/۱۴e	۲/۰۳C
۶	RN65	۲/۲۹c	۲/۲۷c	۲/۳۴c	۲/۲۶c	۱/۰۱d	۰/۱d	۱/۷۱D
۷	RS10	۳/۱۸c	۳/۱۵c	۳/۱۰c	۲/۹۵c	۲/۱۵d	۰/۱۲d	۲/۴۲C
۸	BS153	۴/۷۴b	۴/۲۲b	۲/۲۷c	۲/۴۱c	۱/۹۲d	۱/۵۵d	۲/۹۷C
۹	BSS207	۴/۴۳b	۴/۲۶b	۳/۲۹c	۲/۳۶c	۱/۷۸d	۱/۴۸d	۲/۹۵C
۱۰	BSS192	۲/۱۶d	۲/۱۰d	۲/۰۵d	۲/۰۱d	۱/۷۹d	۱/۴۲e	۱/۵۱D

- میانگین‌هایی که با حرف مشترک مشخص شده اند براساس آزمون دانکن در سطح پنج درصد اختلاف معنی داری با هم ندارند.

۴/۸۰ میکروگرم در میلی لیتر و کاهش تولید، به ترتیب ۶۴/۵ و ۶۵/۲ درصد بود (جدول ۵). Ali و همکاران (2009) گزارش کردند که در باکتری‌های جنس *Pseudomonas* با افزایش مصرف تریپتوfan از ۱۰۰ تا ۲۰۰ میکروگرم در میلی لیتر مقدار تولید ۷/۹۳ میکروگرم در میلی لیتر در جدایه RSS57 بود. با اعمال تنش ۵-بار، تولید در این جدایه به ۷/۳۹ میکروگرم در

در این تحقیق، با ملاحظه اثر تنش خشکی و برهم‌کنش تنش خشکی و مصرف تریپتوfan، برتری جدایه RSS57 مشخص شد. به نحوی که علاوه بر اثر پذیری کمتر از تنش خشکی در تنش‌های با شدت کم، در تنش نهایی (۲۵-بار) نیز این جدایه باکتری توانست به تولید خود ادامه دهد. در حالی که در جدایه‌های RS11 و RS32، تولید هورمون IAA، به ترتیب ۴/۸۲ و

میلی لیتر می‌رسد که نشان دهنده ۷/۳۰ درصد کاهش تولید IAA از ۹/۵۲ به ۲۸/۴۱ میکرو گرم در میلی لیتر افزایش یافت.

جدول ۵- مقایسه تغییرات تولید هورمون IAA در سه جدایه برتر، متأثر از برهم کنش مصرف تریپتوфан و تنش خشکی.

Table 5. Comparison of variability in IAA production of three upper isolates as affected by tryptophan and drought tension interaction.

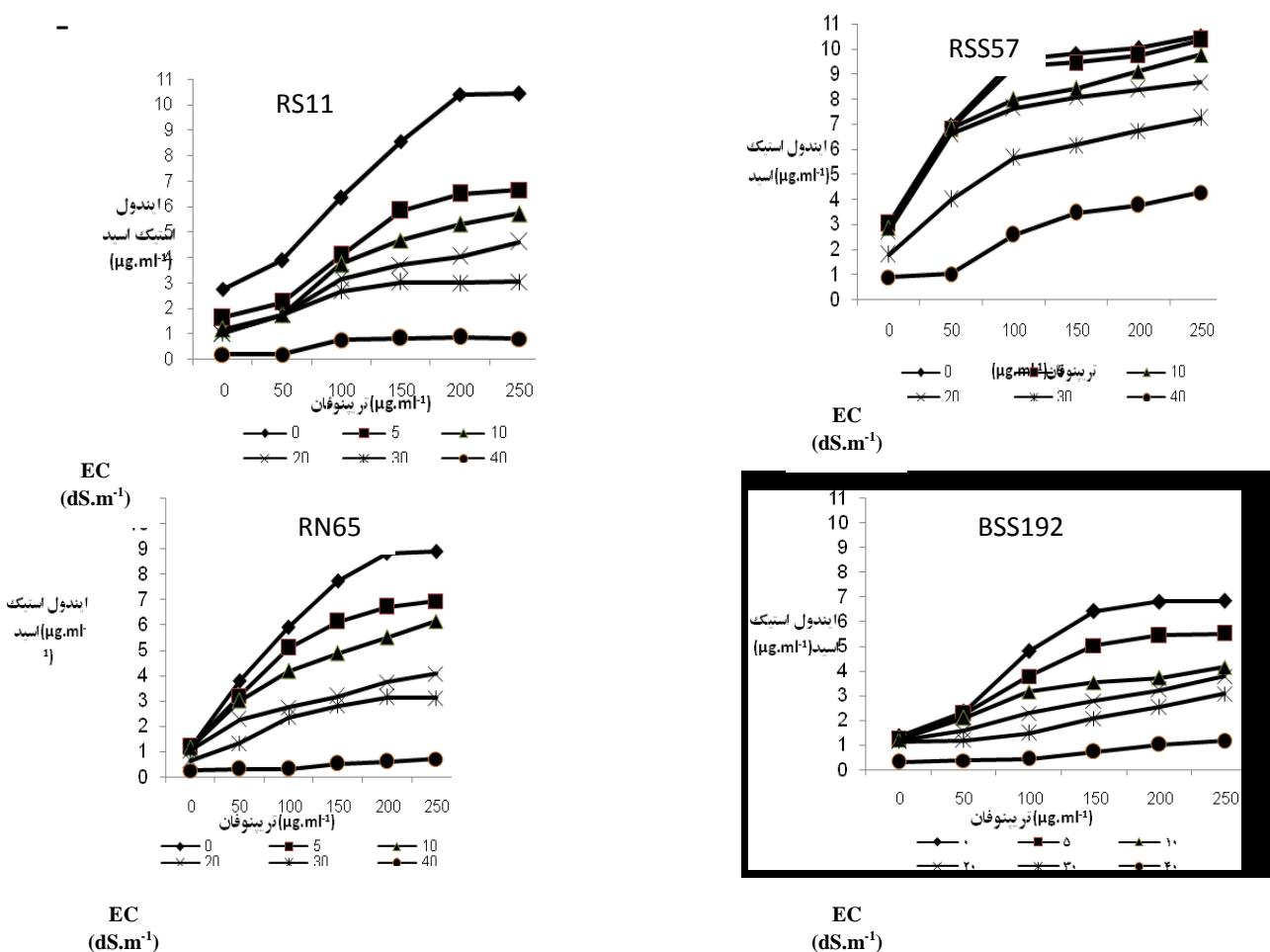
میانگین	غلظت تریپتوfan (میکرو گرم در میلی لیتر)						تنش خشکی (بار)
	۲۵۰	۲۰۰	۱۵۰	۱۰۰	۵۰	صفر	
<u>RSS57 جدایه</u>							
۷/۹۳A	۱۰/۸۸a	۱۰/۰۳a	۹/۹۸a	۸/۷۴b	۵/۹۴b	۲/۰۲d	.
۷/۳۹A	۱۰/۱۲a	۹/۷۰a	۸/۹۷b	۷/۸۹b	۵/۷۷b	۱/۹۴d	-۵
۶/۳۱B	۸/۴۱b	۷/۹۵b	۷/۷۸b	۶/۸۴c	۵/۶۸b	۱/۷۱d	-۱۰
۵/۰۵C	۶/۷۳b	۶/۱۲b	۶/۰۴b	۵/۵۱b	۴/۵۵c	۱/۶۸d	-۱۵
۳/۵۲D	۴/۴۰c	۴/۳۰c	۴/۰۳c	۳/۸۶d	۲/۸۶d	۱/۶۵d	-۲۰
۰/۷۰E	۰/۹۳c	۰/۸۵e	۰/۷۸e	۰/۷۲e	۰/۵۳e	۰/۴۰e	-۲۵
<u>RS11 جدایه</u>							
۶/۵۵A	۱۰/۴۶a	۱۰/۴۱a	۸/۹۳b	۴/۳۰c	۲/۸۴d	۱/۷۲d	.
۴/۸۲B	۷/۰۸b	۷/۲۸b	۵/۹۷c	۴/۰۸c	۲/۹۴b	۱/۵۴d	-۵
۳/۹۱B	۶/۰۹b	۵/۱۵c	۴/۵۱c	۳/۵۸c	۲/۸۹d	۱/۲۱e	-۱۰
۳/۲۰B	۴/۵۶c	۳/۹۹c	۳/۶۶c	۳/۱۱c	۲/۶۷d	۱/۱۸e	-۱۵
۲/۴۶C	۲/۹۰d	۲/۸۷d	۲/۸۹d	۲/۵۴d	۲/۴۰d	۱/۱۵e	-۲۰
۰/۰۰D	۰/۰۰e	۰/۰۰e	۰/۰۰e	۰/۰۰e	۰/۰۰e	۰/۰۰e	-۲۵
<u>RSS32 جدایه</u>							
۶/۳۲A	۱۰/۳۹a	۱۰/۳۷a	۷/۳۲b	۴/۵۸c	۲/۷۸d	۲/۴۸d	.
۴/۸۰B	۶/۹۹b	۶/۸۴b	۶/۶۵b	۴/۴۸c	۲/۵۹d	۱/۸۶d	-۵
۴/۱۱B	۵/۷۱b	۵/۷۱b	۵/۴۴b	۳/۲۵c	۲/۴۸d	۱/۸۱d	-۱۰
۳/۲۵C	۳/۸۷b	۳/۷۵c	۴/۸۴c	۳/۲۰c	۲/۲۹d	۱/۷۷e	-۱۵
۲/۷۸C	۳/۱۶c	۳/۱۰c	۳/۶۱c	۳/۱۶c	۲/۱۰d	۱/۷۲d	-۲۰
۰/۰۰D	۰/۰۰e	۰/۰۰e	۰/۰۰e	۰/۰۰e	۰/۰۰e	۰/۰۰e	-۲۵

میانگین هایی که با حرف مشترک مشخص شده اند براساس آزمون داتکن در سطح پنج درصد اختلاف معنی داری با هم ندارند.

تنش در سطح EC برابر با ۵ دسی زیمنس بر متر) روی هم قرار گرفتند (شکل ۳). همچنین با مصرف مقادیر کم تریپتوfan نیز، این جدایه برتر توانست مقادیر نسبی قابل ملاحظه ای از هورمون IAA نسبت به دیگر جدایه ها در وضعیت مشابه، تولید کند. در جدایه های دیگر، کاهش تولید IAA از شوری از ۵ دسی- زیمنس بر متر شروع شده و این موضوع در شکل ۳ با مشاهده فاصله ایجاد شده منحنی های تنش شوری، نسبت به منحنی بدون تنش شوری (شاهد) مشخص می شود.

اثر مصرف تریپتوfan و سطوح شوری بر تولید IAA هورمون

بررسی تغییرات تولید هورمون IAA در اثر برهم کنش تنش شوری و مصرف تریپتوfan در جدایه RSS57 نشان داد که مقدار شوری برابر با ۵ دسی زیمنس بر متر نسبت به شرایط بدون تنش شوری اثر چندانی بر روند تولید IAA در این جدایه نداشت به طوری که منحنی حاصل از هر دو حالت (بدون تنش و



شکل ۳- روند تغییرات تولید هورمون IAA توسط ۴ جدایه برتر در سطوح مختلف تریپتوфан و تنش شوری.

Fig. 3. The trend of variability in IAA production by 4 upper isolates at different levels of tryptophan and salinity tension.

سلول‌های مرده جانداران خاک در ریزوسفر نسبت به توده خاک، فراوانی و مقدار تولید هورمون IAA در باکتری‌های جدادشده از ریزوسفر بیشتر بود.

در وضعیت تنش‌های خشکی، شوری و شور-سدیمی، ترشحات ریشه‌ای به تبعیت از رشد گیاه، کمتر بود و تریپتوфан کمتری در اختیار باکتری‌ها قرار می‌گرفت (Ahmed *et al.*, 2008). از طرفی، جمعیت باکتری‌ها و توده‌های مرده آنها، کمتر بود و منبع تریپتوfan فراوانی در دسترس باکتری قرار نمی‌گرفت. بنابراین کارایی بیشتر مصرف تریپتوfan در این شرایط، تعیین کننده موثر-بودن تلقیح بوده و به تدریج با افزایش ریشه‌های گیاه، اثر متقابل باکتری و گیاه در جهت گسترش رشد گیاه دو موجود زنده پیش می‌رفت. Swain و همکاران (2007) گزارش کردند که

در این تحقیق، با توجه به این که نمونه‌برداری اولیه به تعداد زیاد و از خاک‌های با درجات مختلف EC و SRA انجام شد، باکتری‌های جadasازی شده نیز به همان نسبت، متنوع بودند و توانایی‌های متفاوتی در تولید هورمون IAA در شرایط تنش‌های خشکی و شوری و کارایی‌های مختلفی نسبت به مصرف تریپتوfan از خود نشان دادند. Dilfuza (2011) گزارش کرد که ۹۰ درصد از باکتری‌های جadasازی شده از ریزوسفر، قادر به تولید هورمون IAA بودند. با توجه به تجزیه و تحلیل نمودارهای فراوانی، مشخص شد که توانایی تولید هورمون IAA در سطوح بالا، در باکتری‌های جadasازی شده از ریزوسفر گندم نسبت به باکتری‌های جadasازی شده از توده خاک بیشتر بود. به نظر می-رسد که به دلیل وجود ترکیباتی مانند هیدرات‌های کربن و ترکیبات آلی در ترشحات ریشه‌ای اطراف ریشه و همچنین

کننده از خشکی از جمله ترهالوز و گلوتامین است و همین موضوع باعث دوام آنها در وضعیت تنفس خشکی و شوری شده است. هرچند در مورد *A. siccitolerans* گزارشی از تولید IAA مشاهده نشد اما درباب گونه‌های دیگر این جنس (2010) Banerjee و همکاران تحقیقاتی انجام شده است. Banerjee و همکاران (2010) تولید هورمون IAA را در برخی از گونه‌های *Arthrobacter* در حدود ۳ میکروگرم در میلی‌لیتر گزارش کردند.

نتیجه‌گیری

با استفاده از چندین مرحله آزمون و مقایسه جدایه‌ها، یک باکتری متعلق به گونه *Arthrobacter siccitolerans* که از ریزوسفر گندم در خاک شور-سدیمی جداسده بود، ویژگی‌های باکتری برتر را داشت. به طوری که محاسبه کارایی مصرف تریپتوфан نشان داد که در تیمار ۲۵۰ میکروگرم در میلی‌لیتر، باکتری مقدار ۰/۱ میکروگرم در لیتر هورمون IAA به ازای مصرف هر واحد تریپتوfan (یک میکروگرم در لیتر) تولید کرد. که این مقدار تولید، نسبت به دیگر جدایه‌ها بالاترین مقدار بود. همچنین باکتری مذکور، دارای پایداری تولید هورمون IAA در تنفس خشکی و شوری بود و کارایی بالایی نیز در مصرف تریپتوfan داشت. بنابراین، با توجه به نتایج، این جدایه گزینه مناسبی برای انجام آزمون‌های مزرعه‌ای بهمنزله باکتری محرک رشد گیاه در تنفس‌های موجود در خاک‌های شور و شور-سدیمی مناطق خشک و نیمه‌خشک در جنوب غربی کشور محسوب می‌شود و می‌تواند به توسعه رشد ریشه، جذب بیشتر آب و عناصر غذایی و در نتیجه افزایش عملکرد گیاهان در اوضاع دشوار محیطی کمک کند.

باکتری *Bacillus subtilis*، مقادیر متغیری از هورمون IAA تولید کرد. Ahmad و همکاران (2005) نشان دادند که تعدادی از جدایه‌های *Pseudomonas fluorescens* قادر بودند در محیط NB بدون افزودن تریپتوفان، مقادیر بین ۵/۳۴ تا ۲۲/۴ میکروگرم در میلی‌لیتر IAA تولید کنند. همچنین، باکتری RSS57 در وضعیت تنفس‌های خشکی و شوری، بیشتر از دیگر جدایه‌ها، هورمون IAA تولید کرده و پایداری تولید در پتانسیل‌های اسمزی مختلف و مقادیر شوری کم تا زیاد را از خود نشان داد. اهمیت این موضوع از آنجا مشخص می‌شود که محققین مختلف از جمله Berg و همکاران (2013) اظهار کردند که بخشی از توانایی یک گونه گیاهی برای سازش با شرایط تنفس خشکی و شوری به میکروارگانیسم‌های توانا به تولید هورمون‌های رشد گیاهی به ویژه IAA در همان وضعیت بستگی دارد. از آنجاکه بخشی از کاهش رشد گیاه در شوری‌های پایین، به کاهش تولید هورمون IAA گیاهی در بافت گیاهی نسبت داده می‌شود، لذا هورمون IAA تولیدی از طریق باکتری‌های تحمل کننده شوری، می‌تواند جبران کننده این خلاصه در گیاه باشد (Alqarawi, et al., 2014).

نتیجه‌شناسایی جدایه باکتری بر قو

پس از انجام مراحل شناسایی ژنتیکی، نتایج تعیین توالی‌ها، در سایت NCBI بررسی شد و با توجه به میزان قربات‌ها مشخص شد که به احتمال ۹۹ درصد این جدایه باکتری متعلق به گونه *Narvaez-Arthrobacter siccitolerans* و Narvaez-Reinaldo (2010) همکاران گزارش کردند که باکتری‌های جنس *Arthrobacter*، که از ریزوسفر گیاهان مناطق خشک جداسازی شد، تجمع دهنده ترکیبات محافظت-

References

- Ahmed, R., Khalid, A., Arshad, M., Zahir, Z.A., and Mahmood, T.** 2008. Effect of compost enriched with N and L-tryptophan on soil and maize. – *Agronomy Sustainable Development* 28: 299-305.
- Ali, B., Sabri, A.N., Ljung, K., and Hasnain.** 2009. Auxin production by plant associated bacteria: impact on endogenous IAA content and growth of *Triticum aestivum* L. – *Letters in Applied Microbiology* 48: 542-547.
- Alqarawi, A.A., Abd Allah, E.F., Hashem, A., Al Huqail, A., Asma, Abdulaziz, A. and Al-Sahli A.A.** 2014. Impact of abiotic salt stress on some metabolic activities of *Ephedra alata* Decne. – *Journal of Food, Agriculture and Environment* 12: 620-625.

- Banerjee, S., Palti, R., Sengupta, C., and Standing, D.** 2010. Stress induced phosphate solubilization by *Arthrobacter* sp. and *Bacillus* sp. isolated from tomato rhizosphere. – Australian Journal of Crop Science 4: 378-383.
- Bent, E., Tuzan, S., Chanway, C.P. and Enebak, S.** 2001. Alteration in plant growth and root hormone levels of lodgepole pines inoculated with rhizobacteria. – Canadian Journal of Microbiology 47:793-800.
- Berg, G., Alavi, M., Schmidt, C.S., Zachow, C., Egamberdieva, D. and Lugtenberg, F.B.** 2013. Biocontrol and osmoprotection for plants under saline conditions. In: J. de Bruijn Frans (Ed.), Molecular Microbial Ecology of the Rhizosphere. – Wiley-Blackwell, USA.
- Dauphin, L., Moser, A. and Bowen, M.D.** 2009. Evaluation of five commercial nucleic acid extraction kits for their ability to inactivate *Bacillus anthracis* spores and comparison of DNA yields from spores and spiked environmental samples. – Journal of Microbiology Methods 76:30-37.
- Dilfuza, E.** 2011. Indole-acetic acid production by root associated bacteria and its role in plant growth and development. In: Keller, A.H., and Fallon, M.D. (Ed.), Auxins: Structure, Biosynthesis and functions. – Nova Science Publishers, Inc.
- Fernandez-Falcon, M., Borges, A. and Borges-Perez, A.** 2003. Induced resistance to *Fusarium* wilt of banana by exogenous applications of indoleacetic acid. – Phytoprotection 84:149-153.
- Lamine, B., Maria, L.V. and Marc-Andre, F.** 2008. Induction and growth of hairy roots for the production of medicinal compounds. – Electronic Journal of Integrative Bioscience 3:1-9.
- Lorraine, G.W., D.L. Balkwill, F.H. Crocker, B.N. Bjornstad, and Robert, V.M.** 2000. Genetic diversity among *Arthrobacter* species collected across a heterogeneous series of terrestrial deep-subsurface sediments as determined on the basis of 16S rRNA and *recA* gene sequences. – Applied Environmental Microbiology 66: 3454-3463.
- Kavamura, V.N., Santos, S.N., and Melo, I.S.** 2013. Screening of Brazilian cacti rhizobacteria for plant growth promotion under drought. – Microbiological Research 168: 183-191.
- Maciel, B.M., Santos, A.C.F., Dias, J.C.T., Vidal, R.O., Dias, R.G.C., Gross, E., Cascardo, J.C.M. and Rezende, R.P.** 2009. Simple DNA extraction protocol for a 16S rDNA study of bacterial diversity in tropical landfarm soil used for bioremediation of oil waste. – Genetics and Molecules Research 8: 375-388.
- Mandal, S.M., Mondal, K.C., Dey, S. and Pati, B.R.** 2007. Optimization of cultural and nutritional conditions for indole-3-acetic acid (IAA) production by a *Rhizobium* sp. isolated from root nodules of *Vigna mungo* (L.) Hepper. – Research Journal of Microbiology 2: 239-246.
- Mangang, J.S., Deaker, R. and Rogers, G.** 2015. Early seedling growth response of lettuce, tomato and cucumber to *Azospirillum brasiliense* inoculated by soaking and drenching. – Horticultural Science 42: 37-46.
- Matsukawa, E., Nakagawa, Y., Iimura, Y. and Hayakawa, M.** 2007. Stimulatory effect of indole-3-acetic acid on aerial mycelium formation and antibiotic production in *Streptomyces* spp. – Actinomycetologica 21: 32-39.
- Michel, B.E. and Kaufmann, M.R.** 1973. The osmotic potential of polyethylene glycol 6000. – Plant Physiology 51:914-916.
- Mohite, B.** 2013. Isolation and characterization of indole acetic acid (IAA) producing bacteria from rhizospheric soil and its effect on plant growth. – Journal of Soil Science and Plant Nutrition 13: 638-649.
- Narváez-Reinaldo, J.J., Barba, I., González-López, J., Tunnacliffe, A. and Manzanera, M.** 2010. Rapid method for isolation of desiccation-tolerant strains and xeroprotectants. – Applied Environmental Microbiology 76: 5254-5262.
- Page, A.L., Miller, R.H. and Keeney, D.R.** 1982. Methods of Soil Analysis. 2nd Edn. – American Society of Agronomy, Madison, WI, USA.
- Patten, C.L. and Glick, B.R.** 2002. Role of *pseudomonas putida* indoleacetic acid in development of host plant root system. – Applied Environmental Microbiology 68: 3795-3801.
- Sandhya, V., Ali S.K.Z., Minakshi, G., Reddy, G. and Venkateswarlu, B.** 2009. Alleviation of drought stress effects in sunflower seedlings by the exopolysaccharides producing *Pseudomonas putida* strain GAP-P45. – Biology and Fertility of Soils 46: 17-26.
- Spaepen, S., Vanderleyden, J. and Remans, R.** 2007. Indole-3-acetic acid in microbial and microorganism-plant signaling. – FEMS Microbiological Review 31:425-448.
- Spaepen, S. and Vanderleyden, J.** 2012. Auxin and plant-microbe interactions. – Cold Spring Herbal Perspect Biology 10: 1-14.
- Swain, M.R., Naskar, S.K. and Ray, R.C.** 2007. Indole3-acetic acid production and effect on sprouting of yam (*Dioscorea rotundata* L) Minisetts by *Bacillus subtilis* isolated from culturable cowdung microflora. – Polish Journal of Microbiology 56: 103-110.

Wang, Q.F., Li, W., Liu, Y.L., Cao, H., Li, Z. and Guo, G.Q. 2007. *Bacillus qingdaonensis* sp. nov., a moderately haloalkaliphilic bacterium isolated from a crude sea-salt sample collected near Qingdao in eastern China. – International Journal of Systematic Evolution in Microbiology 57: 1143-1147.

Woodward, A.W. and Bartel, B. 2005. Auxin: regulation, action, and interaction. – Annals of Botany 95: 707-730.

Soleimani, R., Tofighi, H. and Alikhani, H. 2015. The effect of drought and salinity tensions on IAA production in isolated bacteria from saline and saline-sodic soils. – Nova Biologica Reperta 2: 186-198.

سلیمانی، ر.، توفیقی، ح. و علیخانی، ح.ع. ۱۳۹۴. اثر تنش‌های خشکی و شوری بر تولید هورمون IAA در باکتری‌های خشکی و شوری جداسازی شده از خاک‌های شور و شور-سدیمی. – یافته‌های نوین در علوم زیستی ۲: ۱۸۶-۱۹۸.